

Timestamp	Participeriez-vous à d'autres rencontres du groupe au bistro St So le midi ?	Proposez des thématiques pour des séminaires/tutoriels/groupes de travail.
9/15/2016 14:48:33	Oui.	docker
9/15/2016 14:48:37	Oui.	docker, Outils de visualisation Javascript type Shiny
9/15/2016 14:49:01	Oui.	Visualisation (Shiny, nvd3,...) / docker / Machine learning pour la bioinfo
9/15/2016 14:52:01	Oui.	NoSQL
9/15/2016 14:52:56	Oui.	dockers ; shiny ; stats expression differenciel
9/15/2016 14:54:57	Oui.	- Annotation structurale (prédiction de gènes) et fonctionnelle de génomes Eukaryote sans référence existante - Statistiques pour les analyses d'expression différentielle
9/15/2016 15:08:51	Oui.	docker Outils visualisation (bibliothèque javascript, shiny...)
9/15/2016 15:27:14	Oui.	
9/15/2016 15:32:04	Oui.	docker pour la bio/bioinfo
9/15/2016 15:36:11	Oui.	
9/15/2016 15:36:28	Pourquoi pas...	docker
9/15/2016 15:57:32	Pourquoi pas...	montrer des exemples d'interactions entre bioinformaticiens et biologistes pour que chacun voit ce qu'il a à gagner dans ces interactions
9/15/2016 16:28:37	Oui.	docker / Etat de l'art "scheduler" / Confrontation des architectures des plateformes existantes
9/15/2016 17:29:04	Oui.	Mnémotechnie éthylique ou comment ne pas oublier de payer sa bière
9/16/2016 9:50:18	Oui.	Biologie intégrative / Biologie des systèmes (analyser des données de sources hétérogènes comme RNAseq, Methylseq, Chipseq) Analyser de données de séquençage en cellule unique (single cell RNAseq)
9/19/2016 15:12:38	Oui.	Bonnes Pratiques /Retour expérience en analyse RNA-seq (outils pour alignement,différentiel, pour quelles questions ET accompagnement des biologistes en demande sur la préconisation du nb de réplicats, profondeur séquençage ... ) Intégration de données omics (transcriptomics, cistromics...)/ Réseaux de régulation à base de ces intégrations comme GINsim (Denis Thieffry) ...
9/20/2016 14:27:01	Oui.	Dirac pour le cloud. docker. BioShaddock docker repository. Galaxy on demand (Institut Curie).
9/21/2016 10:13:29	Non, cette formule ne me plaît pas.	
9/23/2016 13:21:16	Oui.	Machine learning, Systems Biology

