

# Réseau régional d'ingénieurs en bioinformatique

## Bilan pour l'année 2012

Ce réseau a été initié fin 2010, par le PPF Bioinfo de Lille1 sur les directives d'Hélène Touzet.

### Objectif

Ce réseau doit permettre aux personnes qui utilisent des outils bioinformatiques ou qui en développent, de partager leurs compétences et leur expérience quelque soit leur organisme d'origine (Universités, CNRS, INRA, INRIA, INSERM etc... ). L'objectif de ce réseau n'est pas de traiter des sujets de recherche en bioinfo, mais de l'utilisation d'outils ou de ressources. L'aspect régional est important : le fait de se connaître et de se rencontrer régulièrement permet aux informations de mieux circuler.

### Fonctionnement

4 réunion par ans pour échanger des retours d'expériences et des informations (sur les projets en cours, les événements comme les congrès ou les formations), des réunions thématiques selon les intérêts des participants (ex thématique « calcul intensif »), des séminaires, une liste de diffusion ([bioinfo-inge@univ-lille1.fr](mailto:bioinfo-inge@univ-lille1.fr)). Un wiki géré par l'université Lille1 (<http://wikis.univ-lille1.fr/bioinfo-inge>) contient les présentations des séminaires et les comptes-rendus des réunions.

### Profils des participants

32 participants sont inscrits sur la liste de diffusion. La plupart ont un profil d'« utilisateur » d'outils bioinfo et développent des scripts permettant d'utiliser et d'intégrer des outils existants. Plusieurs domaines sont représentés : analyses en épidémiologie génétique, analyse de transcriptome, protéomique, génomique, analyse de données NGS. Un participant a un profil d'administrateur de ressources utilisées par la communauté bioinfo (cluster et grille).

### Séminaires

14-05-2011 – IBL – organisé par Sophie Gallina

Première partie : Olivier Arnaiz - Centre de Génétique Moléculaire UPR 3404 Gif-sur-Yvettes

*Le projet GMOD : une collection d'outils génériques pour le stockage et la visualisation de données biologiques*

Deuxième partie : Joelle Amselem INRA - URGI / BIOGER Versailles

*Genome annotation : URGI pipelines and manual annotation system*

26-06-2012 - IBL – organisé par Sophie Gallina

Olivier Inizan & Yufei Luo - URGI INRA Versailles

*Galaxy: un environnement d'analyses bioinformatiques*

Prévu en octobre et novembre

Lina Soualmia, [LIM&Bio : Laboratoire d'informatique médicale & bioinformatique Université Paris 13] *Ontologies*

Mikael Salson [Equipe Bonsai] *Alignement de séquences*

## **Autres activités**

Utilisation des grilles de calcul : Cette activité est liée à la forte implication du mésocentre Lillois. 2 nouvelles équipes Lilloise ont maintenant un compte GRID2-FR (l'IFR147 et l'IRCL). Au total 5 équipes de bioinformatique ont accès à la grille de calcul européenne (EGI) en plus cluster du mésocentre. Des présentations communes Chercheurs UFR Bio / Mésocentre Lillois seront présentées aux *Journées scientifiques mésocentres et France Grilles* (<http://calcul.math.cnrs.fr/spip.php?article214>).

Workflow pour les analyses bioinfo : Toujours en collaboration avec le mésocentre Lillois, une instance locale de Galaxy est en cours de test. Les conditions d'utilisation restent à définir.