

Réseau régional d'ingénieurs en bioinformatique

Bilan pour l'année 2011

Ce réseau a été initié fin 2010, par le PPF Bioinfo de Lille1 sur les directives d'Hélène Touzet.

Objectif

Ce réseau doit permettre aux personnes qui utilisent des outils bioinformatiques ou qui en développent, de partager leurs compétences et leur expérience quelque soit leur organisme d'origine (Universités, CNRS, INRA, INRIA, INSERM etc...). L'objectif de ce réseau n'est pas de traiter des sujets de recherche en bioinfo, mais de l'utilisation d'outils ou de ressources. L'aspect régional est important : le fait de se connaître et de se rencontrer régulièrement permet aux informations de mieux circuler.

Fonctionnement

4 réunion par ans pour échanger des retours d'expériences et des informations (sur les projets en cours, les événements comme les congrès ou les formations), des réunions thématiques selon les intérêts des participants (ex thématique « calcul intensif »), des séminaires, une liste de diffusion (bioinfo-inge@univ-lille1.fr).

Profils des participants

25 participants sont inscrits sur la liste de diffusion. La plupart ont un profil d'« utilisateur » d'outils bioinfo et développent des scripts permettant d'utiliser et d'intégrer des outils existants. Plusieurs domaines sont représentés : analyses en épidémiologie génétique, analyse de transcriptome, protéomique, génomique, analyse de données NGS. Un participant a un profil d'administrateur de ressources utilisées par la communauté bioinfo (cluster et grille).

Séminaires

13-05-2011 – IBL – Organisé par Frédéric Leprêtre, IRCL Lille
Pr Benno Schwikowski - Systems Biology Lab, Institut Pasteur, Paris
- *An overview of the Cytoscape software platform for network biology*

9-06-2011 - Institut Pasteur Lille - Organisé par Cécile Lecœur, CNRS UMR 8199
Rayan Chikhi - IRISA Renne
- *Assemblage de novo*
Toby Hocking - INRIA Paris
- *Sustainable R package development using documentation generation*
- *Collaborative statistical software development using R-Forge*

10-06-2011 – INRIA _ Organisé par Louise Ott, INRIA Lille
David Hot - Institut Pasteur de Lille
- *Présentation des puces à ADN, de l'intérêt de la normalisation des données, des biais obtenus*
Guillemette MAROT - INRIA
- *Présentation de Bioconductor et de son utilisation sur les puces à ADN - retours d'utilisation*