

Le groupe ingé de la Plateforme bilille organise un séminaire lundi 14 novembre 2016, de 9h30 à 12h30, à l'Institut de Biologie de Lille 1, rue du Professeur Calmette 59000 Lille. Contact :



Docker, BioShaddock, Go-Docker

Olivier Sallou
IRISA – GenOuest



Docker est un outil facilitant la diffusion et l'utilisation de logiciels en utilisant les technologies de conteneurs. Les conteneurs permettent en effet de facilement déployer un outil sans les contraintes liées à la version d'un OS, si les dépendances sont disponibles etc... Ils permettent également d'offrir des moyens de diffusion d'un logiciel lié à un article de recherche pour le déployer sur n'importe quel PC, cloud etc.... Il va permettre en outre une plus grande reproductibilité des résultats.

Si cette technologies est puissante et offre de nombreuses fonctionnalités, elle a néanmoins ses contraintes.

Dans un premier temps nous parcourrons ces différentes fonctionnalités, et verrons comment utiliser Docker dans un environnement de développement ou de production.

Je présenterais ensuite BioShaDock, un registre (catalogue) de container pour la bioinformatique et nous verrons en quoi il diffère des registres publics.

Enfin, je présenterai GoDocker, un outil SGE-like pour les conteneurs (batch scheduler/computing). Cette solution est en production sur la plateforme GenOuest et nous verrons ce qu'il peut apporter à une infrastructure de calcul, et quoi un tel outil est nécessaire par rapport à une utilisation "directe" de Docker.

