

Le groupe ingé de la Plateforme bilille organise un séminaire jeudi 2 juin 2016, de 9h30 à 11h, à l'Institut de Biologie de Lille 1, rue du Professeur Calmette 59000 Lille. Cette conférence sera suivie d'un tutoriel : de 11h à 12h, puis de 13h30 à 16h. Le séminaire est ouvert à tous sans inscription. Pour le tutoriel (limité à 15 participants), l'inscription est obligatoire avant le 30/05/2016. Contact : sophie.gallina@univ-lille1.fr



Modéliser autrement avec OpenMole

Mathieu Leclaire^{1,2}, Romain Reuillon^{1,2}

¹ISC-PIF Institut des Systèmes Complexes Paris Île-de-France

²Géographie-cités CNRS UMR8504



Aujourd'hui, le modélisateur construit des codes de calcul toujours plus complexes mettant en jeu de nombreux paramètres, traitant des jeux de données toujours plus importants. La compréhension par les chercheurs du comportement de leurs propres modèles est devenu ardue, le traitement des données sur des machines personnelles : impossible. C'est à ce double défi que s'attaque OpenMOLE, plateforme numérique proposant des méthodes de haut niveau (plans d'expériences, analyse de sensibilité, de robustesse, optimisation) appliquées directement sur les codes des modélisateurs (sans modification du code métier) et qui sont distribuées à grande échelle de manière transparente sur n'importe quel type d'infrastructure sans aucune connaissance technique (serveur, cluster, grille de calcul). Nous vous proposons une présentation détaillée d'OpenMOLE le matin avant d'en faire une initiation lors d'un atelier pratique l'après-midi.

